

Fig. 1SEQ ID NO: 1

TGGAAAGATGTTACTTCATCTCCCAGGTTTGCTCACTGCAAATACAAT
CCTGAGAACTGAACTAGGGCCTTAAAGTCCTGACATGCATGGCTTGGT
TTTGTGGATTGCCTCTCTCAACAGGTGGTGAAATTTACCAAATCCTTT
GAATTGATGTCCCCAAAGTGCAGTGCTGATGCTGAGAACAGTTTCAAA
GAAAGCATGGAGAAATCATCATACTCCGACTGGCTAATAAATAACAGC
ATTGCTGAGCTGGTTGCTTCAACAGGCCTTCCAGTGAACATCAGTGAT
GCCTACCAGGATCCGCGCTTTGATGCAGAGGCAGACCAGATATCTGGT
TTTCACATAAGATCTGTTCTTTGTGTCCCTATTTGGAATAGCAACCAC
CAAATAATTGGAGTGGCTCAAGTGTTAAACAGACTTGATGGGAAACCT
TTTGATGATGCAGATCAACGACTTTTTGAGGCTTTTGTGCATCTTTTGT
GGACTTGGCATCAACAACACAATTATGTATGATCAAGTGAAGAAGTCC
TGGGCCAAGCAGTCTGTGGCTCTTGATGTGCTATCATACCATGCAACA
TGTTCAAAAGCTGAAGTTGACAAGTTTAAGGCAGCCAACATCCCTCTG
GTGTCAGAACTTGCCATCGATGACATTCATTTTGATGACTTTTCTCTC
GACGTTGATGCCATGATCACAGCTGCTCTCCGGATGTTCAEGGAGCTG
GGGATGGTACAGAAATTTAAAATTGACTATGAGACACTGTGTAGGTGG
CTTTTGACAGTGAGGAAAACTATCGGATGGTTCTATAACCACAACTGG
AGACATGCCTTCAACGTGTGTCAGCTGATGTTTCGCGATGTTAACCCT
GCTGGGTTTCAAGACATTCTGACCGAGGTGGAAATTTTAGCGGTGATT
GTGGGATGCCTGTGTCATGACCTCGACCACAGGGGAACCAACAATGCC
TTCCAAGCTAAGAGTGGCTCTGCCCTGGCCCAACTCTATGGAACCTCT
GCTACCTTGGAGCATACCATTTCAACCACGCCGTGATGATCCTTCAA
AGTGAGGGTCACAATATCTTTGCTAACCTGTCCTCCAAGGAATATAGT
GACCTTATGCAGCTTTTGAAGCAGTCAATATTGGCAACAGACCTCACG
CTGTACTTTGAGAGGAGAACTGAATTCTTTGAACTTGTCAGTAAAGGA
GAATACGATTGGAACATCAAAAACCATCGTGATATATTTTCGATCAATG
TTAATGACAGCCTGTGACCTTGGAGCCGTGACCAAACCGTGGGAGATC

- 2/3 -

TCCAGACAGGTGGCAGAACTTGTAACCAGTGAGTTCTTCGAACAAGGA
GATCGGGAGAGATTAGAGCTCAAACCTCACTCCTTCAGCAATTTTTGAT
CGGAACCGGAAGGATGAACTGCCTCGGTGCAACTGGAGTGGATTGAT
AGCATCTGCATGCCTTTGTATCAGGCACTGGTGAAGGTCAACGTGAAA
CTGAAGCCGATGCTAGATTCAGTAGCTACAAACAGAAGTAAGTGGGAA
GAGCTACACCAAAAACGACTGCTGGCCTCAACTGCCTCATCCTCC~~T~~CC
CCTGCCAGTGTTATGGTAGCCAAGGAAGACAGGAACTAAACCTCCAGG
TCAGCTGCAGCTGCAAAATGACTACAGCCTGAAGGGCCATTTTCAGTC
CAGCAATGTCATCCTTTTGTTCCTTTTAGCTCAGAAAGACCTAACATCT
CAAGGATGCACTGGGAACCATGCCTGGGCTTTCACCTTGAAGCATGGT
CAGCAGCA

- 3/3 -

Fig. 2**SEQ ID NO: 2**

MSPKCSADAENSFKESMEKSSYSDWLINNSIAELVASTGLPVNISDAY
QDPRFDAEADQISGFHIRSVLCVPIWNSNHQIIGVAQVLNRLDGKPF
DADQRLF EAFVIFCGLGINNTIMYDQVKKSWAKQSVALDVLSYHATCS
KAEVDKFKAANIPLVSELAIDDIHFDDFSLDVDAMITAALRMFMELGM
VQKFKIDYETLCRWLLTVRKNYRMVLYHNWRHAFNVCQLMFAMLT
TAG FQDILTEVEILAVIVGCLCHDLDRGTNNAFQAKSGSALAQLYGTSAT
LEHHHFNHAVMILQSEGHNIFANLSSKEYSDLMQLLKQSILATDLTLY
FERRTEFFELVSKGEYDWNINKNRDIFRSMMLMTACDLGAVTKPWEISR
QVAELVTSEFFEQGDRELERLELKLTPSAIFDRNRKDELPRLOLEWIDSI
CMPLYQALVKVNVKLPMLDSVATNRSKWHEELHQRLLASTASSSSPA
SVMVAKEDRN

Fig. 3**SEQ ID NO: 3**

5' - CATGACCTCGACCACAGGG - 3'

Fig. 4**SEQ ID NO: 4**

5' - TAGAGTTGGGCCAGGGCAG - 3'

Fig. 5**SEQ ID NO: 5**

5' - AACCAACAATGCCTTCCAAGCTAAGAGTGG - 3'